

Certificat d'Analyse(s)

Propriétaire : [REDACTED]
 Elevage : 32987
 Demandeur : [REDACTED]
 Organisation :
 Préleveur : GUILBERT Laurence (26382) 62860 PRANVILLE EN ARTOIS
 Référence : EXT20211441

Date de prélèvement : 08/07/2021 Date de réception : 16/07/2021
 Nombre de prélèvements : 1 Nature des prélèvements : Buccal (brossette)
 Espèce : CHAT Race : MCO - Maine Coon
 Date de naissance : 03/09/2020 Sexe : Femelle

Remarques : 2020.42623

Pyruvate Kinase Deficiency (Pkdef)

Date d'exécution : 23/07/2021

Identification	Autres informations	Résultat
1 Code ADN : FC45706 Nom : RAFALE DES C GNEURS D ETANGS Puce : 250268743495567	2020.42623	NORMAL (+/+)

La présence de la mutation *c.693+304G>A* présente sur le gène *PKLR* est recherchée.

Cette mutation est responsable du Déficit en pyruvate kinase (PKDef) chez les chats de races : Abyssin/Somali, Bengal, Mau Egyptien, LaPerm, Maine Coon, Norvégien, Savannah, Sibérien, Singapura, Ocicat, Domestic longhair et shorthair.

Cette mutation se transmet de manière autosomique récessive ; Seuls les individus ayant reçu 2 allèles mutés (génotype *-/-*) sont considérés comme atteints par la maladie. Les individus ayant reçu un seul allèle muté (génotype *+/-*) sont considérés comme porteur de la maladie - ils ne développeront pas la maladie mais ont 50% de chance de transmettre héréditairement la mutation à leurs descendants. Les individus ne possédant pas d'allèles mutés (génotype *+/+*) sont considérés comme sains.

NORMAL (+/+): animal homozygote normal, non porteur de la mutation

PORTEUR (+/-): animal hétérozygote porteur de la mutation

ATTEINT (-/-): animal homozygote atteint

Ce compte-rendu ne concerne que les prélèvements soumis à analyse.
 La reproduction de ce document n'est autorisée que sous la forme de fac-similé photographique intégral.

Fait à Loudéac, le 28/07/2021

Anne-Sophie Guyomard
 Chargée de développement génétique et génomique



Certificat d'Analyse(s)

Propriétaire :  
 Elevage : 32987  
 Demandeur :  
 Organisation :
 Préleveur : GUILBERT Laurence (26382) 62860 PRANVILLE EN ARTOIS
 Référence : EXT20211441

Date de prélèvement : 08/07/2021 Date de réception : 16/07/2021
 Nombre de prélèvements : 1 Nature des prélèvements : Buccal (brossette)
 Espèce : CHAT Race : MCO - Maine Coon
 Date de naissance : 03/09/2020 Sexe : Femelle

Remarques : 2020.42623

Cardio-Myopathie Hypertrophique (HCM-MC)

Date d'exécution : 23/07/2021

Identification	Autres informations	Résultat
1 Code ADN : FC45706 Nom : RAFALE DES C GNEURS D ETANGS Puce : 250268743495567	2020.42623	NORMAL (+/+)

La présence de la mutation A31P présente sur le gène MyBPC3 est recherchée.

Cette mutation est responsable de la Myocardiopathie hypertrophique (HCM) chez les chats de race Maine Coon.

Cette mutation se transmet de manière autosomique dominante ; Les individus ayant reçu un allèle muté pourront développer la maladie plus ou moins tard et avec une intensité différente. Les individus ne possédant pas d'allèles mutés (génotype +/+) sont considérés comme sains.

NORMAL (+/+): animal homozygote normal, non porteur de la mutation

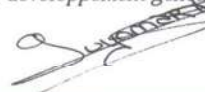
PORTEUR (+/-): animal hétérozygote porteur de la mutation

ATTEINT (-/-): animal homozygote atteint

Ce compte-rendu ne concerne que les prélèvements soumis à analyse.
 La reproduction de ce document n'est autorisée que sous la forme de fac-similé photographique intégral.

Fait à Loudéac, le 28/07/2021

Anne-Sophie Guyomard
 Chargée de développement génétique et génomique



Certificat d'Analyse(s)

Propriétaire :
Elevage : 3298/
Demandeur :
Organisation :
Préleveur : GUILBERT Laurence (26382) 62860 PRANVILLE EN ARTOIS
Référence : EXT20211441

Date de prélèvement : 08/07/2021 **Date de réception :** 16/07/2021
Nombre de prélèvements : 1 **Nature des prélèvements :** Buccal (brossette)
Espèce : CHAT **Race :** MCO - Maine Coon
Date de naissance : 03/09/2020 **Sexe :** Femelle

Remarques : 2020.42623

Spinal Muscular Atrophy (SMA)

Date d'exécution : 23/07/2021

Identification	Autres informations	Résultat
1 Code ADN : FC45706 Nom : RAFALE DES C GNEURS D ETANGS Puce : 250268743495567	2020.42623	NORMAL (+/+)

La présence de la mutation "140kb del (exons 4-6)" présente sur le gène LIX1 est recherchée.
 Cette mutation est responsable de l'atrophie musculaire spinale (SMA) chez les chats de race Maine Coon.
 Cette mutation se transmet de manière autosomique récessive ; Seuls les individus ayant reçu 2 allèles mutés (génotype -/-) sont considérés comme atteints par la maladie. Les individus ayant reçu un seul allèle muté (génotype +/-) sont considérés comme porteur de la maladie - ils ne développeront pas la maladie mais ont 50% de chance de transmettre héréditairement la mutation à leurs descendants. Les individus ne possédant pas d'allèles mutés (génotype +/+) sont considérés comme sains.

NORMAL (+/+): animal homozygote normal, non porteur de la mutation
 PORTEUR (+/-): animal hétérozygote porteur de la mutation
 ATTEINT (-/-): animal homozygote atteint

Ce compte-rendu ne concerne que les prélèvements soumis à analyse.
 La reproduction de ce document n'est autorisée que sous la forme de fac-similé photographique intégral.

Fait à Loudéac, le 28/07/2021

Anne-Sophie Guyomard
 Chargée de développement génétique et génomique



Certificat d'Analyse(s)

Propriétaire : [REDACTED]
Elevage : 32987
Demandeur : [REDACTED]
Organisation :
Préleveur : GUILBERT Laurence (26382) 62860 PRANVILLE EN ARTOIS
Référence : EXT20211441

Date de prélèvement : 08/07/2021 Date de réception : 16/07/2021
Nombre de prélèvements : 1 Nature des prélèvements : Buccal (brossette)
Espèce : CHAT Race : MCO - Maine Coon
Date de naissance : 03/09/2020 Sexe : Femelle

Remarques : 2020.42623

GS ADN

Date d'exécution : 23/07/2021

Identification	Autres informations	Résultat
1 Code ADN : FC45706 Nom : RAFALE DES C GNEURS D ETANGS Puce : 250268743495567	2020.42623	nonb/nonb

GS ADN ou Groupe Sanguin par ADN

Résultat nonb/nonb : aucune allèle b détectée, groupe sanguin A ou AB. Résultat nonb/b : 1 allèle b détectée, groupe sanguin A ou AB. Résultat b/b : 2 allèles b détectés, groupe sanguin B.

Dans l'état actuel des connaissances, ce test est valable chez de nombreuses races de chats mais peut présenter des exceptions parmi les races suivantes : Angora turc, Ragdoll, Bengal, Chaussie, Savannah, Sibérien, Sphynx et European Shorthair.

Ce compte-rendu ne concerne que les prélèvements soumis à analyse.
La reproduction de ce document n'est autorisée que sous la forme de fac-similé photographique intégral.

Fait à Loudéac, le 28/07/2021

Anne-Sophie Guyomard
Chargée de développement génétique et génomique

